

DETECCIÓN Y CARACTERIZACIÓN MOLECULAR DE CORONAVIRUS EN MURCIÉLAGOS INSECTÍVOROS DE ARGENTINA

RESUMEN

Los murciélagos son los principales hospedadores de coronavirus (CoV) entre los mamíferos. En la actualidad, la alta diversidad de estos mamíferos y su amplia diseminación por todo el mundo, además de su estilo de vida y hábitos, han contribuido en la aparición de una gran variedad de enfermedades emergentes zoonóticas en animales silvestres y domésticos, incluidos los humanos. Por este motivo ha habido un gran interés en identificar nuevos CoV de murciélagos a nivel mundial, ya que esto permite una mejor preparación para una eventual emergencia zoonótica. En este trabajo nos propusimos indagar la prevalencia y la diversidad de los coronavirus que circulan en murciélagos insectívoros de Argentina durante el periodo 2019-2021 y estudiar la asociación entre la positividad de los especímenes y sus variables biológicas y ecológicas. Para realizar esta investigación se analizaron 594 muestras de tejido rectal de murciélagos insectívoros de 8 provincias argentinas, que fueron provistas por el Servicio de Neurovirosis, Departamento de Virología del Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas ANLIS “Dr. Carlos G. Malbrán”. La prevalencia estimada resultó del 8,25%, y al estudiar la diversidad mediante el análisis filogenético, detectamos solo miembros del género α -CoV. No encontramos asociación estadísticamente significativa entre la tasa de positividad y las variables biológicas y ecológicas estudiadas. En el análisis gráfico descriptivo absoluto se detectó un pico en los meses cálidos, lo que coincide con una mayor actividad asociada a la estación reproductiva de las poblaciones de murciélagos del hemisferio sur. Debido al impacto que produjeron las últimas enfermedades zoonóticas sobre la salud pública, los CoV generan preocupación. Es por ello que se necesita una vigilancia epidemiológica para minimizar futuros eventos zoonóticos.

Esta investigación contribuye significativamente al entendimiento de la diversidad y la epidemiología de los coronavirus a nivel nacional y regional. En el futuro, podría mejorarse expandiendo el número de especies y áreas estudiadas, así como profundizando en el análisis, mediante la exploración de los aspectos genómicos.

PALABRAS CLAVE: virus, coronavirus, murciélagos, clado.